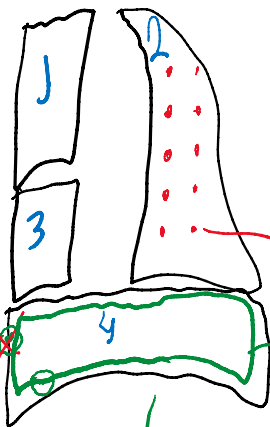


Gerador de amostras



Talhões florestais

amostragem sistemática

região permitida para amostragem

Exemplo:

100 ha

1,5 intensidade

$\Rightarrow 100 / 1,5 \Rightarrow 67$ parcelas (amostras)

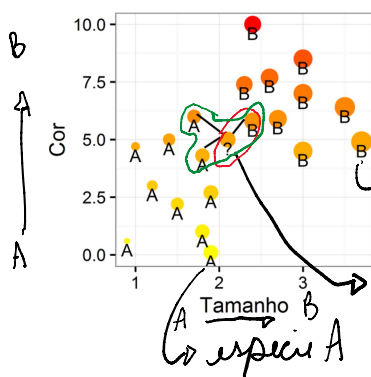
- 1 Importar a fileira espacial $\rightarrow$ determinar a quantidade de amostras
- 2 Criar região permitida para amostras (buffer)
- 3 Lançar amostras $\rightarrow$ loop (while) $\rightarrow$ enquanto quantidade de amostras for diferente do número estabelecido (67)
- 4 Ajustar a quantidade $\rightarrow$ Não está OK
- 5 Exportar amostras $\rightarrow$ OK

Lançar parcela
while (n-gerado != n-parc) {
 Lançar parcela

}

Aplicações

quinta-feira, 3 de dezembro de 2020 08:38

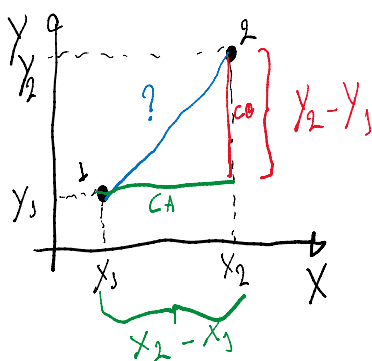


k -nn $\rightarrow$ k vizinhos mais próximos

$\hookrightarrow$ Aprendizagem de máquina

$k=1 \Rightarrow$ Espécie B

$k=3 \Rightarrow$ Espécie A



$$dist_{1,2}^2 = CA^2 + CB^2$$

$$dist_{1,2} = \sqrt{(x_2 - x_1)^2 + (y_2 - y_1)^2}$$

Distância Euclidiana

Etapas:

$\rightarrow$ características de indivíduos com espécies conhecidas

- ① Importar dados de referência $\rightarrow$ pode ser mais de um indivíduo
- ② Características de indivíduo de espécie desconhecida $\rightarrow$ pode importar do Excel.
- ③ Estabelecer o número de vizinhos (k) para avaliação
- ④ Computar distâncias entre o desconhecido e os conhecidos $\rightarrow$ considerar características, como tamanho e cot
- ⑤ Ordenar dados de referência pela distância
- ⑥ Filtrar apenas os k vizinhos mais próximos (k nn)
- ⑦ Contabilizar a frequência de espécies dos k vizinhos
- ⑧ Identificar a espécie com maior frequência dos k vizinhos
- ⑨ Salvar o resultado em um objeto
- ⑩ Imprimir na tela o resultado $\rightarrow$ Identificação/Classificação da espécie do indivíduo antes desconhecido.